

Algorithmen und Datenstrukturen (ESE)
Entwurf, Analyse und Umsetzung von
Algorithmen (IEMS)
WS 2012 / 2013

Vorlesung 13, Dienstag, 29. Januar 2013
(Kürzeste Wege, Dijkstras Algorithmus)

Prof. Dr. Hannah Bast
Lehrstuhl für Algorithmen und Datenstrukturen
Institut für Informatik
Universität Freiburg

Blick über die Vorlesung heute

■ Organisatorisches

- Ihre Erfahrungen mit dem Ü12 (BFS, DFS, Z-Komponenten)
- Infos zur Klausur (am Samstag, den 23. März, 11 – 13 Uhr)

■ Kürzeste Wege

- **Dijkstras Algorithmus** zur Berechnung des kürzesten Weges zwischen zwei Knoten (in einem Graphen mit Kantenkosten)
- Idee + Beispiel + Korrektheitsbeweis
- Hinweise zur Implementierung und darüber hinaus
- **Übungsaufgabe (Ü13)**: Dijkstras Algorithmus implementieren, und damit den "Durchmesser" des Saarland Graphen berechnen

Erfahrungen mit dem Ü12 (BFS, DFS, ZK)

- Zusammenfassung / Auszüge Stand 29. Januar 16:00
 - Aufgabe gut machbar, allerdings Zeitprobleme bei einigen
 - Aufgabe mit realen Daten (GeoNames, Straßengraphen) machen mehr Spaß als zufällige Daten
 - Gut, dass man sich aussuchen konnte ob **DFS** oder **BFS**
 - Beim rekursiven DFS Limit für Stackgröße erhöhen
warum → siehe Vorlesung 9 zu Funktionsaufrufen und Stack
 - Nochmal erlebt wie langsam quadratische Laufzeit ist
 - Einlesen in C++ mit **cin**, **scanf**, **getline**, **read** ? ... ü-nächste Folie
 - Frau Bast verdeckt am Ende Erklärungen zu Ü-Blättern
ok, ich habe 3 kg abgenommen

Ergebnisse mit dem Ü12 (BFS, DFS, ZK)

- Zusammenfassung Ihrer Ergebnisse
 - Daten: OSM Straßengraph des Saarlandes
 - #Knoten im Originalgraph: 1.119.289
 - #Knoten größte Z-Komponente: 213.567
 - Grund 1: Privatwege, Radwege, etc.
 - Grund 2: Nicht mit dem Rest verbundene Subnetzwerke
 - Laufzeit: in < 1 Sekunde machbar (inkl. Einlesen)

Einlesen von Dateien in C++

■ Speziell von zeilenbasierten Daten

– Option 1: `FILE*` und `getline`

Effizient und gut, wenn auch "C Style"

– Option 2: `ifstream` und `getline`

"C++ Style", da gab es früher Probleme mit Dateien > 2GB, aber inzwischen genauso gut wie `FILE*` und `getline`

Felderweise `<<` ist aber ineffizient, erst ganze Zeile lesen !

– Option 3: `fscanf` bzw. `sscanf`

Fehleranfällig und ineffizient, no-no bei großen Daten

– Option 4: `FILE*` und `read`

Alles an einem Stück in einen String einlesen ist natürlich am effizientesten, aber doof wenn nicht alles in den Speicher passt

Pfade in einem Graphen (Wiederholung)

- Für einen Graphen $G = (V, E)$
 - Ein Pfad in G ist eine Folge $u_1, u_2, u_3, \dots, u_l \in V$ mit
 - $(u_1, u_2), (u_2, u_3), \dots, (u_{l-1}, u_l) \in E$ [gerichteter Graph]
 - $\{u_1, u_2\}, \{u_2, u_3\}, \dots, \{u_{l-1}, u_l\} \in E$ [ungerichteter Graph]
 - Die **Länge des Pfades** (auch: **Kosten des Pfades**)
 - ohne Kantengewichte: Anzahl der Kanten
 - mit Kantengewichte: Summe der Gewichte auf dem Pfad
 - Der **kürzeste Pfad** (engl. **shortest path**) zwischen zwei Knoten u und v ist der Pfad u, \dots, v mit der kürzesten Länge
 - Der **Durchmesser** eines Graphen ist der längste kürzeste Pfad = $\max_{u,v} \{\text{Länge von } P : P \text{ ist ein kürzester Pfad zwischen } u \text{ und } v\}$

Dijkstras Algorithmus 1/3

■ Idee

- Sei s der Startknoten und sei $\text{dist}(s,u)$ die Länge des kürzesten Pfades von s nach u , für alle Knoten u
 - Besuche die Knoten in der Reihenfolge der $\text{dist}(s,u)$
- Wir werden gleich sehen: wenn alle Kantenlängen = 1 sind, ist das genau Breitensuche / BFS

■ Ursprung

- Edsger Dijkstra (1930 – 2002)
Niederländischer Informatiker, einer der wenigen Europäer, die den Turing-Award gewonnen haben (für seine Arbeiten zur strukturierten Programmierung)
- Der Algorithmus ist aus dem Jahr **1959**

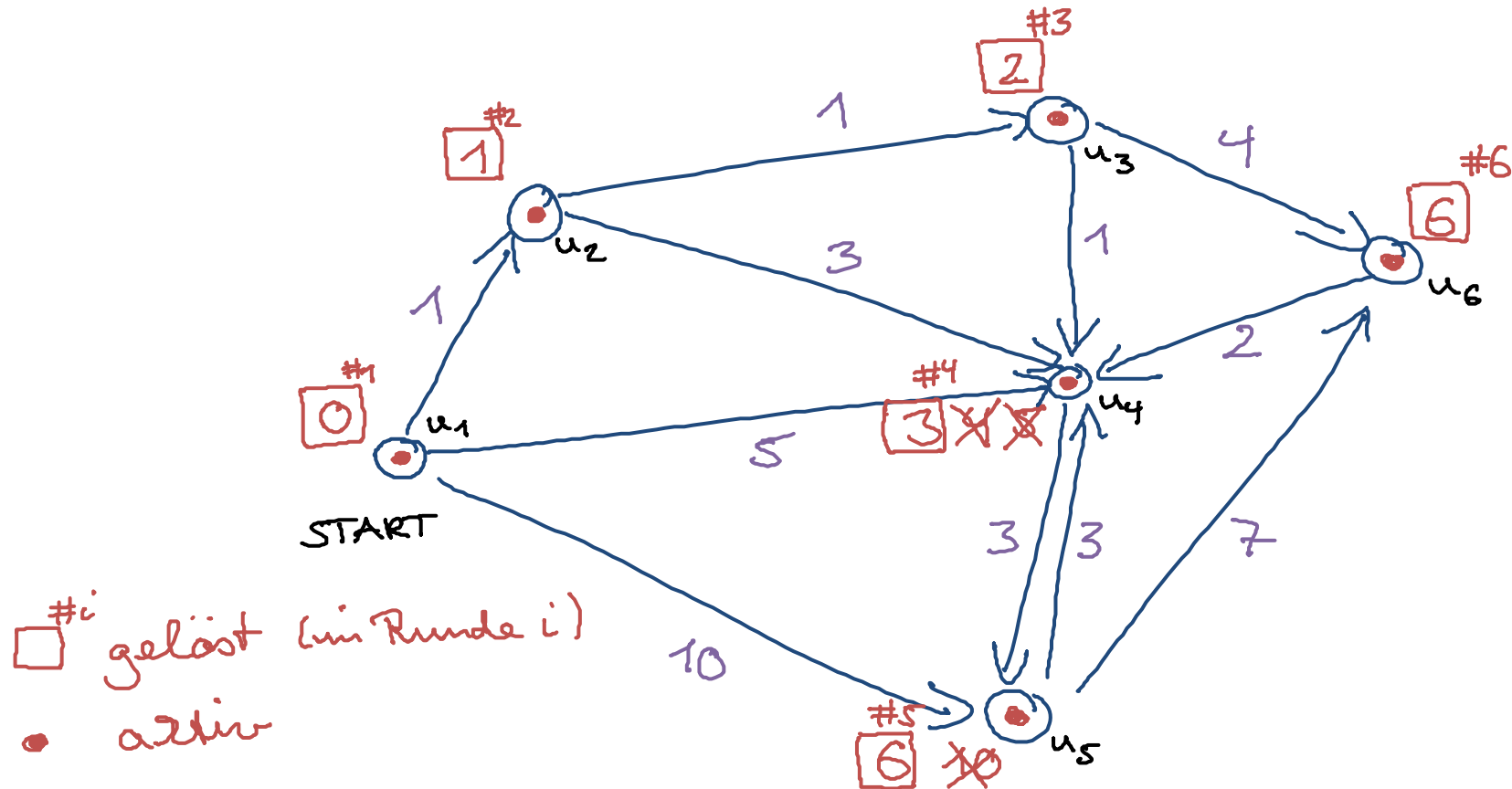


Dijkstras Algorithmus 2/3

- High-level Beschreibung des Algorithmus
 - Drei Arten von Knoten:
 - Für die **gelösten** Knoten u kennen wir $\text{dist}(s, u)$
 - Für die **aktiven** Knoten haben wir einen Pfad der Länge $\text{dist}(u) \geq \text{dist}(s, u)$ (kann optimal sein, muss aber nicht)
 - Die **unerreichten** Knoten haben wir noch nicht erreicht
 - Auf Englisch: **settled**, **active**, **unreached**
 - In jeder Runde holen wir uns den **aktiven** Knoten u mit dem **kleinsten** Wert für $\text{dist}(u)$
 - Den Knoten u betrachten wir dann als **gelöst**
 - Für jeden Nachbarn v von u prüfen wir, ob wir v über u schneller erreichen können als bisher = **Relaxieren von (u, v)**
 - Nächste Runde, bis es keine aktiven Knoten mehr gibt

Dijkstras Algorithmus 3/3

■ Beispiel



Korrektheitsbeweis 1/3

beim Beispiel auf
der Folie vorher
nicht der Fall

■ Argumentationslinie

- **Annahme 1:** Alle Kantenlängen sind > 0 , siehe Folie 19
- **Annahme 2:** Die $\text{dist}(s, u)$ sind **alle verschieden**

Das erlaubt einen einfacheren und intuitiveren Beweis

Es geht aber auch ohne, siehe Referenzen ... nur bei Interesse

- Mit **A2** gibt es eine Anordnung u_1, u_2, u_3, \dots der Knoten $u_1 = s$
so dass gilt $\text{dist}(s, u_1) < \text{dist}(s, u_2) < \text{dist}(s, u_3) < \dots$
- Wir wollen zeigen, dass am Ende von Dijkstras Algorithmus
 $\text{dist}(u_i) = \text{dist}(s, u_i)$ für jeden Knoten u_i
- Im Folgenden zeigen wir, durch Induktion über i , dass:
... in der i -ten Runde gilt $\text{dist}(u_i) = \text{dist}(s, u_i)$
... in der i -ten Runde wird Knoten u_i gelöst

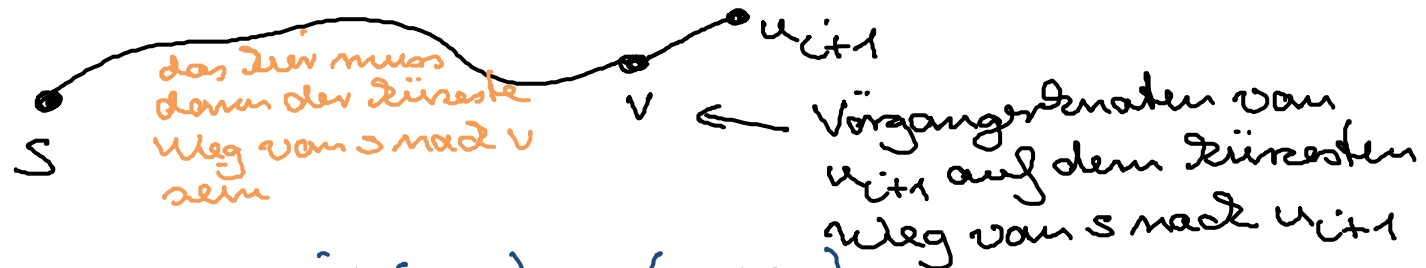
Korrektheitsbeweis 2/3

Induktionsanfang $i=1$:

Am Anfang ist nur der Startknoten $s = u_1$ aktiv
und $\text{dist}(s) = 0$.

Den löst man dann, und dann ist $\text{dist}(s) = \text{dist}(s, u_1) = 0$

Induktionsschritt $1, \dots, i \rightarrow i+1$:



$$\text{dist}(s, u_{i+1}) = \text{dist}(s, v) + \underbrace{c(v, u_{i+1})}_{\text{Kosten der Kante von } v \text{ nach } u_{i+1}}$$

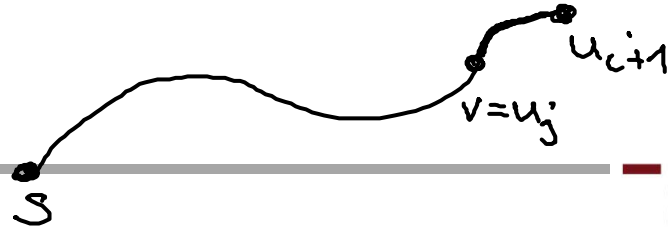
$$\Rightarrow \text{dist}(s, v) < \text{dist}(s, u_{i+1})$$

$$\Rightarrow \text{Das } v \text{ ist eins von } u_1, \dots, u_i$$

$$v = u_j, \quad 1 \leq j \leq i$$

> 0
(wegen
Annahme 1)


Korrektheitsbeweis 3/3



FORTSETZUNG :

Nach Induktionsannahme wurde $v = u_j$ in
Runde j gelöst und dabei war $\text{dist}(v) = \text{dist}(s, u_j)$
Beim Relaxieren in Runde j wurde dann
 $\text{dist}(u_{i+1}) = \underbrace{\text{dist}(v)}_{= \text{dist}(s, u_j)} + c(v, u_{i+1})$ gesetzt
 $\underbrace{\hspace{10em}}_{= \text{dist}(s, u_{i+1})}$

Jetzt müssen wir uns noch $u_z, z > i+1$ anschauen:
 $\text{dist}(u_z) \geq \text{dist}(s, u_z) > \text{dist}(s, u_{i+1}) = \text{dist}(v)$

ALSO wird in Runde $i+1$ das u_{i+1} gelöst
und $\text{dist}(u_{i+1}) = \text{dist}(s, u_{i+1})$
(solange seit Runde $j \leq i$) 

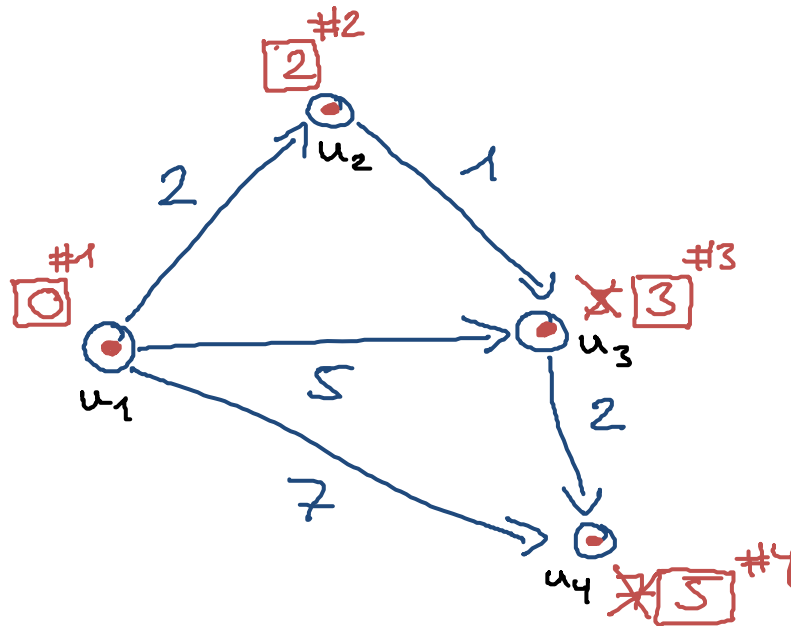
- Einige Hinweise (der Rest ist Übungsaufgabe)
 - Wir müssen die Menge der **aktiven Knoten** verwalten
 - Ganz am Anfang ist das nur der Startknoten
 - Am Anfang jeder Runde brauchen wir den **aktiven** Knoten u mit dem **kleinsten** Wert für $\text{dist}(u)$
 - Es bietet sich also an, die aktiven Knoten in einer **Prioritätswarteschlange** zu verwalten, mit Schlüssel $\text{dist}(u)$
 - Folgendes Problem taucht dabei auf:
 - Die Länge des aktuell kürzesten Pfades zu einem aktiven Knoten kann sich mehrmals ändern, bevor der Knoten schließlich gelöst wird
 - Wir müssen dann seinen Wert in der **PW** verkleinern, **ohne** dass wir den Knoten rausnehmen

- Oft gibt es nur `insert`, `getMin` und `deleteMin`
 - Mit so einer `PW` hat man nur Zugriff auf das jeweils kleinste Element, nicht auf ein beliebiges
 - **Alternative:** Sieht man einen Knoten wieder, mit einem niedrigeren `dist` Wert, fügt man ihn einfach nochmal ein
Bei einem gleichen oder höheren `dist` Wert macht man nichts !
 - Den Eintrag mit dem alten Wert lässt man einfach drin
 - Wenn der Knoten gelöst wird, dann mit dem niedrigsten Wert mit dem er in die `PW` eingefügt wurde
 - Wenn man dann später nochmal auf den Knoten trifft, mit höherem `dist` Wert, nimmt man ihn einfach heraus und macht **nichts**

Implementierungshinweise 3/3

■ Beispiel dazu

Man hat ja ein Feld, das einem für jeden Knoten die beste Distanz von s gibt, da schaut man nach.



PRIORITÄTS-
WARTESCHLANGE

u₁	0	#1	GELÖST
u₂	2	#2	GELÖST
u₃	5		IGNORIERT!
u₄	7		IGNORIERT!
u₃	3	#3	GELÖST
u₄	5	#4	GELÖST

Laufzeitanalyse

Mit unserem Trick
können bis zu m
Elemente in der PW
sein.

■ Für einen Graph mit n Knoten und m Kanten

- Jeder Knoten wird genau **einmal** gelöst
- Genau dann werden seine ausgehenden Kanten betrachtet
- Jede ausgehende Kante führt zu höchstens einem **insert**
- Die Anzahl der Operationen auf der **PW** ist also $O(m)$
- Die Laufzeit von Dijkstras Algorithmus ist also $O(m \cdot \log m)$
- Weil $m \leq n^2$ ist das auch $O(m \cdot \log n)$
- Mit einer aufwändigeren **PW** geht auch $O(m + n \cdot \log n)$

$$m \geq n$$

$$\log n^2 = 2 \cdot \log n$$

Zum Beispiel mit sogenannten **Fibonacci-Heaps**

Für große und dichte Graphen ($m \sim n^2$) ist das klar besser

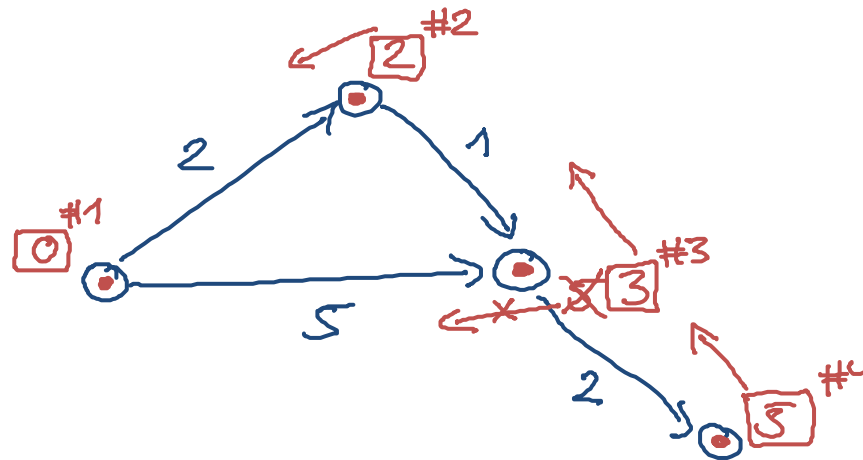
In der Praxis ist aber oft $m = O(n)$ und dann ist der einfache **Binary Heap** die bessere Wahl ... [siehe Vorlesung 6](#)

■ Abbruchkriterium

- Sobald der Zielknoten t gelöst wird kann man aufhören
... aber nicht vorher, dann kann $\text{dist}(t) > \text{dist}(s, t)$ sein!
 - Bevor Dijkstras Algorithmus t erreicht, hat er die kürzesten Wege zu **allen** Knoten u mit $\text{dist}(s, u) < \text{dist}(s, t)$ berechnet
 - Dijkstras Algorithmus löst damit nicht nur das sogenannte **single source single target** shortest path Problem, sondern gleich das sogenannte **single source all targets** Problem
 - Das hört sich verschwenderisch an, es gibt aber für allgemeine Graphen keine (viel) bessere Methode
- Intuitiv:** erst wenn man **alles** im Umkreis von $\text{dist}(s, t)$ um den Startknoten s abgesucht hat, kann man sicher sein, dass es keinen kürzeren Weg zum Ziel t gibt

■ Berechnung der kürzesten Pfade

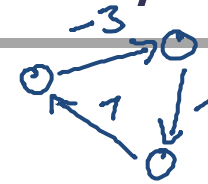
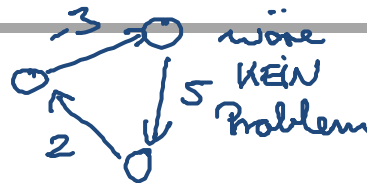
- So wie wir Dijkstras Algorithmus bisher beschrieben haben, berechnet er nur die **Länge** des kürzesten Weges
- Wenn man sich bei jeder **Relaxierung** den Vorgängerknoten auf dem aktuell kürzesten Pfad merkt, kriegt man aber auch leicht die tatsächlichen **Pfade**



Weiterführende Kommentare 3/3

■ Erweiterungen

- In unserem Beweis haben wir benutzt, dass die Kantenlängen alle **nicht-negativ** sind *sogar > 0*
- Bei **negativen Kantenkosten** kann es **negative Zyklen** geben, um mit denen umzugehen braucht man andere Algorithmen
 - Zum Beispiel den **Bellman-Ford Algorithmus**
 - Wenn der Graph **azyklisch** ist, reicht auch einfach topologisches Sortieren (mit DFS) + Relaxieren der Knoten in der Reihenfolge dieser Sortierung
- Eine (nicht nur) in der künstlichen Intelligenz häufig benutzte Variante von Dijkstras Algorithmus ist der **A* Algorithmus**:
Dann zusätzlich gegeben: $h(u)$ = Schätzwert für $dist(u, t)$



- Kürzeste Wege und Dijkstras Algorithmus

- In Mehlhorn/Sanders:

- 10 Shortest Paths

- In Wikipedia

- http://en.wikipedia.org/wiki/Shortest_path_problem

- http://en.wikipedia.org/wiki/Dijkstra's_algorithm